

fluorescence markers: * NED, ** HEX, ***6-FAM

Fig. 1

CG5 CG6 CG7	cttcacTCCAGCA C	Primer15/16 TTTGCTCGGGTCACGGCCTCCTCGGTT TTTCCTCGGGTCACGGCCTCCTCCTGGTT TTTTCTCGGGTCACGGCCTCCTCCTGGTT Primer14 CCIGGTT	-330
CG5 CG6 CG7	CCCAGGACCCCACCATAGGCAGAGGCAGGC CCCAAGACCCCACCATAGGCAGAGGCAGGC CCCAAGACCCCACCATAGGCAGAGGCAGGC CCCAAGACCCCACCATAGGCAGAGGCAGGC C	TTCCTACACCCTACTCTCTGTGCCTCCAG TTCCTACACCCTACTCTCTGTGCCTCCAG TTCCTACACCCTACTCTGTGCCTCCAG	~270
CG5 CG6 CG7 Endo	GCTCGACTAGTCCCTAGCACTCGACGACTG A CCTCGACTAGTCCCTAACACTCGACGACTG A CCTCGACTAGTCCCTAGCACTCGACGACTG A CCTCGACTAGTCCCTAGCACTCGACGACTG A Primer3/4	AGTCTCAGAGGTCACTTCACCGTGGTCTCC AGTCTCAGAGGTCACTTCACCGTGGTCTCC	-210
CG5 CG6 CG7 Endo	GCCTCACCCTTGGCGCTGGACCACTGAGGG GCCTCATCCTTGGCGCTAGACCACTGAGGG GCCTCATCCTTGGTGCTAGACCACTGAGGG GCCTCATCCTTGGCGCTAGACCACTGAGGG GCCTCATCCTTGGCGCTAGACCACTGAGGG G	BAGAGGACTGGGGTGCTCCGCTGAGCCACT BAGAGGACTGGGGGTGCTCCGCTGAGCCACT	-150
CG5 CG6 CG7 Endo	CCTGCGCCCCCTGGCCTTGTCTACCTCTT CCCTGTGCCTCCCTGGCCTTGTCTACTTCTC CCTGTGCCTCCCTGGCCTTGTCTACTTCTC CCTGTGCCTCCCTGGCCTTGTCTACTTCTC C	GCCCCCGAAGGGTTAGTGTCGAGCTCACT GCCCCCGAAGGGTTAGTGTCCAGCTCACT	-90
CG5 CG6 CG7 Endo	CCAG-CATCCTACAACCTCCTGGTGGCCTT (CCAG-CATCCTACAACCTCCTGGTGGCCTT (CCAG-CATCCTACAACCTCCTGGTGGCCTT (-30
CG5 CG6 CG7 Endo	AGGTACACGAGGCAGGGACGCACCAAGG AGGTACACCAGGCAGGGGACGCACCAAGG AGGTACACCAGGCAGGGACGCACCAAGG AGGTACACCAGGCAGGGACGCACCAAGG	+1 ** ATGGAGATGTTCCAGGGGCTGCTGCTGTTG ATGGAGATGTTCCAGGGGCTGCTGCTCTTTG	+30
CG5 CG6 CG7 Endo	CTCCTGCTGAGCATGGGCGGGACATGGGCA	GATG	+90
CG5 CG6 CG7	20 CCCATCAATGCCACCCTGGCTGTGGAGAAG		+150
CG5 CG6 CG7		*** Primer2 50 ATGACCCGCGTGCTGCAGGGGGTCCTGCCG	+210
CG5 CG6 CG7	60 GCCCTGCCTCAGGTGGTGTGCAACTACCGC	70 GATGTGCGCTTCGAGTCCATCCGGCTCCCT	+270
CG5 CG6 CG7	GCCCTCCCTCAGGTGCTGCAACTACCCC 80 GGCTGCCCGCGCGCGTGAACCCCGTGGTC	90 TCCTACGCCGTGGCTCTCAGCTGTCAATGT	+330
CG6 CG7	GGCTGCCGGGGGGGGGTGAACCCGGTGGTC	TCCTACGCCGTGGCTCTCAGCTGTCAATGT 110	
CG5 CG6	Primer12/13 117 120 GATGACCCCGCTTCCAGGACTCCTCTCC GCC	130 TCAAAGGCCCTCCCCCAGCCTTCCAAGT	+450
CG5	GATGACCCCGCTTCCACCCCTCCTCTCC Primer11 140 CCATCCCGACTCCCGGCCCTCGGACACC	TCAAAGGCCCTTCCCCCCAGCCTTCCAAGT 145 CCCATCCTCCCACAAtaaa	+510
CG6 CG7 End	- CCATCOCGACTCCCGGGGCCCTCGGACACC		Fig. 2